

a

LP

-24

Ssa-NILT1 MVILLVPTLKIVLLLAAVWSVCTA
Ssa-NILT2S.
Ssa-NILT3I.....S.
Ssa-NILT4
Ssa-NILT5T..S.
Ssa-NILT6

Ig domain

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110
Ssa-NILT1 Ig1 ELITVEGVEGGKAERICPYREWRSHHKYLCKG--DCLSYKDKVIKTEAGVNSTSRGRYSLKDIREESVFLVTTITDLTDDAGRYWCEETAKWKPDHVVEINLIVSE
Ssa-NILT2 Ig1E.....N..N.....T.....
Ssa-NILT3 Ig1K.....Q.....SKMEITFLG.ND.E..D-EEW.KW...H.DKGVR..I...NMMS.G..T...V.RSGLD.EV.G-----
Ssa-NILT4 Ig1Q.....Q.....V.PVLN.....E..A.K.....N.....I...N..K.....VD--..GQ.N.IKA..E..
Ssa-NILT5 Ig1K.....Q.....E.RVFN.....E.....N..K.....VD--..GQ.N.IKV..E..
Ssa-NILT6 Ig1Q.....Q.....V.PVLN.....E..A.K.....N.....I...N..K.....V..T.....
 ***** ***** ***** ***** ***** ***** *****
 A B C C' D E F G

Ssa-NILT3 Ig2 -PTA.T...EQTVS.Y.M.D.KTEDNE..F.VT--TQ.R.ID.VKVT.TK---SQN..F..F.N.TAGA.T...R..QE....L.VQN-NQAL.TLSAVQ.DIK-

CP

TM

120 130 140 150 160 170 180 190 200 210 220
Ssa-NILT1 ---VSPALSSP-----SP---ISMSSSPSPISMSS---PSPISMSSSPSPSSMSSSPSPSSHNRS--VVIIIVSGILVMLLLVLVVSLLIV---
Ssa-NILT2 -----PT---TTT.P.TAN.I-----I-----DTS.....RV.FS.VA.CS...A..IG.S.T-----V.QSGEL
Ssa-NILT3 ---I..T.....P---TAT.Q.TAN-----I-----ILPST-----DTS.....T-----
Ssa-NILT4 VGATAT.TITTTTRKPATTTTASNRLPTLSSLT..ISPSS.I..SSSISP.S.I.P---I..ST---Q.GF-----
Ssa-NILT5 ---T.....P---AT.ISTSS-T.S---S.V---ILAST-----
Ssa-NILT6 -----PT---TTT.P.TAT.....S-----T-----

Cyt

230 240 250 260 270 280 290 300 310 320 330 340 350
Ssa-NILT1 YRWKLNQETAESSAPRVNTDTRINRECCHGDRDYEEIKDRPLLSSSGGETTTIYSTANLPTSPSDSLNYASVNFHKNPSCPNEATAAITKEGTS-GDYATVNVNSQNPAYSTVNHPSHSSEAPPIYSTLSITRDT
Ssa-NILT2 ..G.F.K..D.....G..A.G.S.....QF..S.....TK.....Q.....L..RV.FS.VA.CS...A..IG.S.T-----V.QSGEL
Ssa-NILT3 ..G.F.K..D.....G..NGE.....Q.....V.A.....R.F.....N.....D.....V.A.....S.....IG.S.....T.....YIV.KP.HP
Ssa-NILT4 ..K..D.....G--..I.G...G.NK.V..H-T..S.....C.....A.....S.....K.....
Ssa-NILT5 ..M..D.....G...GE.....Q.....V.A.....F.....V.A.....P.....IG.S.....Q.T-----
Ssa-NILT6 ..G.F.K..D.....G..S.....Q.....S.....K.....Q.....L..RV.FS.VA..S...A..IG.S.T-----V.QSGEL
 ITIM ITIM ITIM ITIM

b

