Left End

	Species/Abbrv	
I	1. ISSude1:	ACTCAAATTGCTAGTTAAAAAGAGG
	2. ISCaa5:	ACCTAAGTTGCTAGTAATAGATAAG
	3. ISPasp3:	AATGTAAGTTGCAAATAACTAAGTT
II	4. ISSde7:	ACCTCAACTCGGGATAAAAAACTGA
	5. ISSod20:	ACCTGAACTAGGGATAAGAAATGTT
	6. ISVsa6:	ACCTGAATTCTGGATAAGGCTGAAC
	7. ISPlu11:	ACCCGAATTCTGGATAAGAAATTGA
	8. ISPlu6:	ACCCGAATTCTGGATAAGAAATTGA
	9. ISXne5:	ACCTGAGCTTCGCTTAAGGGAAGGG
	10. IS1592:	ACCTGAGTTCGGGATAAGCAGGTCA
	11. IS1599:	ACCTGAGTTCGGGATAAGGGCTCAA
	12. ISNeu1:	ACCTGAGTTCGGGATAAGAAAAGAG
	13. ISNeu2:	CTAACCTGAGTTCGGGATAAGAAAA
	14. ISLbp3:	ACGTGAGTTCGGCGTAAGAAGGAAA
	15. ISAba6:	ACGTGAATTCGGGATAAGGAAGTTT
	16. ISWpi16:	ACCTCAGTTATGGATTAGAAAATAG
	17. ISPasp1:	ACCTGAACTTTGGGTTTAGGTGTTT
	18. ISPasp2:	ACCTGAACTTTGGGTTTAGGTGTTT
	19. ISFtu4:	ACCTCAGTTCGGAATTAAAAGTATT
	20. IS195:	ACGTCAGTTCGACGAAGTAAAACGC
	21. ISPsa1:	GTCGCTACCTCGGTAGGTATTTTGC
	22. ISCca1:	ACCTGAACTCTGGATTAGATTTTCA
	23. ISCca4:	ACGTCAGTTTTGGATTAGAAATTAA
	24. ISAlw19:	AACCTGAGTTCGATATAAAAAAAGA
	25. ISAlw20:	AACCTGAGTTCGACATAAAAAATAA
	26. ISAba4:	ACCCGAATTACGGATAAGAAAAGCC
	27. ISAcsp2:	CCTGAATCGCGGATAAGAAATTGAC
III	28. ISDge8:	ACCGCGAATAGGGGTTGACAGAGCA
	29. ISDd4:	ACCCTGTTTAGGGCCTGAATCAGCG
	30. ISDd5:	ACCCCGTTTAGGGCCTGAATCAGGG
IV	31. ISCef2:	TCGCCTAGATGAGTAAGTCCTAATA
	32. ICef3:	TAAGTCCTATTAGGACTCTCGCGCG
	33. ISGsp1:	ACCCGTGGTGCTAGATAAACTTGAT
	34. ISGth1:	ACCCGTGGTGCTAGATAAAATCAGA
	35. ISBs1:	ACCCGTGGTGCTAGATAAACTCAAA
	36. IS19:	CCCGTGGTGCTAGTTAATTTTTTCC
	37. ISEfm1:	ACCCGTGGTGCTAGTTAATTTTTTC
	38. IS233A:	ACCCGTGTTGCTAGTTGATTTAGAA
	39. IS982:	ACCCGAATTGCTAGTTAATTTCATT
	40. IS982C:	ACCCGAATTGCTAGTTAATTTCATT
	41. ISLll1:	ACCCGAATTTCTAGTTAATTTCATT
	42. IS982B:	ACCCGAATTGCTAGTTAATTTCATT
	43. ISLla2:	ATCAGAATTCTAGTTGATTTCATTG
	44. ISLgar2:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTTTATC
	45. ISLgar3:	ACCCAACTTGCTAGTTGAAATTTTT
	46. ISLhe1:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTT
	47. ISLhe7:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTT
	48. ISLhe5:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTT
	49. ISLh1:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTT
	50. ISLpl4:	ACGCGTGGTGCTAGTTTGTAATAAT
	51. ISSmu5:	CCCGTGGTGCTAGTTTATTTTTAGT
	52. ISSa4:	CCCGTGGTGCTAGTTAATCTCAAAA
	53. ISScr1:	CCCCGTGGTGCTAGTTAATTTCAAA
	54. ISSpy2:	ACTCGTGGTGCTAGTTAATGTCAGA
	55. ISSsu12:	ACTCGTGGTGCTAGTTCATTTCAAA
V	56. ISClce1:	ACTCGTTGTGCTAGTTAAATACGTT
	57. ISCth1:	ACTTGTTGTGCTAGCTTTTTTTACA
	58. ISRmsp1:	ACTTGTTGTGCTAGATAAAATAAAA
	59. ISNsp1:	ACGCGATGTGCGACTTATTGTTTCG
	60. ISPsma1:	ACCCCACTCTCAACTTCGAAAGTGA
	61. ISAba825:	ACGCCAATCTCAACTTTTTAAGTCA
	62. ISAba47:	ACCCGAATTACGGATAAGAAAAGCC
	63. ISAba9:	ACCCCAATCTCAACTTTTTAAGTGA
VI	64. ISRa1:	AACCCGTTGTGCATTATGAAATGAA
	65. ISFba2:	ACCCGTTGGGTGAAATTATTTGAAG
	66. IS1187:	ACCCGTTGGCGGAATTAATTTAAGT
	67. ISPrsp2:	ACCTGTTGGCGGAATTAAATTATAA
VII	68. ISPfu3:	ACCCTAGTTCCCATCAGGTCGTTAG
	69. ISTli1:	ACCCTAGTTCCCATCAGATCGTTGG

Right End

	Species/Abbrv	
I	1. ISSude1:	ACTCAAATTGATAGTTGCTTTTCAT
	2. ISCaa5:	ACCTAAGTTGCTAGTTAAGAAAAGC
	3. ISPasp3:	AATGTAAGTTGCAAATAACTAATTT
II	4. ISSde7:	ACCTGAGATCGGTTTAAGCCATAAC
	5. ISSod20:	ACCTGAGATCGGTTTAACGAGCCAT
	6. ISVsa6:	ACCTGAATTCTGGATAAAACATGCT
	7. ISPlu11:	ACCCGAATTCTGCTTAAGCCGTCAT
	8. ISPlu6:	ACCCGAATTCTGCTTAATCCGTCAT
	9. ISXne5:	ACCTCAGCTTCGTTTAAAGATAGCG
	10. IS1592:	ACCTGAGTTCGGGATAAGAGCTTGC
	11. IS1599:	ACCTGAGTTCGGGATAAGCCACATT
	12. ISNeu1:	ACCTGAGTTCGGGATAAGCCCTTAA
	13. ISNeu2:	CTAACCTGAGTTCGGGATAAGCCCT
	14. ISLbp3:	ACGTGAGTTCGGCCTAAGGAGAAAG
	15. ISAba6:	ACGTGAATTCGGTTTTAAGCAGAAT
	16. ISWpi16:	ACCTCAGTTATGGATTAGCCGATAA
	17. ISPasp1:	ACCTGAACTTTGGGTTTCAAGCAGC
	18. ISPasp2:	ACCTGAATTTTGGGTTTTTAGGCAG
	19. ISFtu4:	ACCTCCGTTCGACAATTATTTCATA
	20. IS195:	ACGTCAGTTCGATCTAAGCGGAAAT
	21. ISPsa1:	CTGCGAGCCATGGAGTGCTAAGCAC
	22. ISCca1:	ACCTGAACTCTGGATTAGAATTATT
	23. ISCca4:	ACGTGAGTTTCGGATTAGACTTATT
	24. ISAlw19:	ACCTGAGTTCGATGAAATCCACTTA
	25. ISAlw20:	ACCTGAGTTCGATGAAATATTTTAG
	26. ISAba4:	ACCCCAGTTACGGATAAGCCAAAGA
	27. ISAcsp2:	CCCGGATCCTGCTTAAGCCGATGAT
III	28. ISDge8:	ACCGCGAATAGGGGTTGACTCGGAG
	29. ISDd4:	ACCCCGTTTAGGGTTGCATGAGGTT
	30. ISDd5:	ACCCCGTTTAGCGGTGCATGAGGTT
IV	31. ISCef2:	TCACCTAGATGATTAAGTCCTAATA
	32. ICef3:	TAAGTCCTATTGATTTTTAGTGGTC
	33. ISGsp1:	ACCCGTGGTGCTAGTTGAGTGTCAG
	34. ISGth1:	ACCCGTGGTGCTAGTTGAGTCTTAA
	35. ISBs1:	ACCCGTGGTGCTAGTTGAGCTTTAG
	36. IS19:	CCCGTGGTGCTAGTTAATTTTAATA
	37. ISEfm1:	ACCCGTGGTGCTAGTTAATTTTAAT
	38. IS233A:	ACCCGTGGTGCTAGATGATTTAGAA
	39. IS982:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTATTTA
	40. IS982C:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTATTTA
	41. ISLll1:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTATTTA
	42. IS982B:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTATTTA
	43. ISLla2:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTATTTA
	44. ISLgar2:	ACCCGAATTGCTAGTTGATTATTTA
	45. ISLgar3:	ACCTAACTTGCTAGTTGTTTAATCC
	46. ISLhe1:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTC
	47. ISLhe7:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTC
	48. ISLhe5:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTC
	49. ISLh1:	ACGCGTGGTGCTAGTTAAATCGTTC
	50. ISLpl4:	ACGCGTGGTGCTAGTTCGTCACAAA
	51. ISSmu5:	CCCGTGGTGCTAGTTAAAAAATCTT
	52. ISSa4:	CCCGTGGTGCTAGTTAATCTCAAAG
	53. ISScr1:	ACTCGTGGTGCTAGTTAATCTCAAA
	54. ISSpy2:	ACTCGTGGTGCTAGTTAAACTCAAC
	55. ISSsu12:	ACCCGTGGTGCTAGTTCATTTCAAA
V	56. ISClce1:	ACCTGTTGTGCTAACAGATAAGTTT
	57. ISCth1:	ATCTGTTGTGCTACCTGATAGTTTA
	58. ISRmsp1:	ACCTATTGTGCTACTTCAAATAGAT
	59. ISNsp1:	ACGCCATGTGCGACTTAATATTCTG
	60. ISPsma1:	ACCCCACTCTCAACTTGAAATAAGC
	61. ISAba825:	ACGCCAATCTCAACTTTAAATAAGC
	62. ISAba47:	ACCCCAGTTACGGATAAGCCAAAGA
	63. ISAba9:	ACGCCAATCTCAACTTAAAATAAGA
VI	64. ISRa1:	TAACTCGTTGTGCATTTTAAATAAT
	65. ISFba2:	ACCCGTTGGGTGAAATTAAATTAAT
	66. IS1187:	ACCCGTTGGCGGAATTAATTTAAGT
	67. ISPrsp2:	ACCTGTTGGCGGAATTAAAATAGCG
VII	68. ISPfu3:	ACCCTAGTTCCCACCATCTGTGAAG
	69. ISTli1:	ACCCTAGTTCCCACCACCTGTGAAG

Figure S1