

**Table S5. Upregulated proteins in EVs isolated from whole saliva  
of non-SS subjects vs. pSS patients**

| Gene name   | T-Test (P-Value) | SC non-SS | SC pSS |
|-------------|------------------|-----------|--------|
| MUC5A_HUMAN | 0,00021          | 86        | 312    |
| H31_HUMAN   | 0,00034          | 41        | 69     |
| CD44_HUMAN  | 0,0016           | 6         | 26     |
| CEAM5_HUMAN | 0,0016           | 3         | 23     |
| TRFL_HUMAN  | 0,002            | 572       | 606    |
| FLNA_HUMAN  | 0,002            | 282       | 312    |
| CIB1_HUMAN  | 0,0025           | 3         | 21     |
| MYH9_HUMAN  | 0,0029           | 1353      | 1282   |
| LG3BP_HUMAN | 0,0032           | 282       | 263    |
| CFAB_HUMAN  | 0,0033           | 12        | 32     |
| TCPA_HUMAN  | 0,004            | 0         | 9      |
| SPTN1_HUMAN | 0,0043           | 20        | 54     |
| MVP_HUMAN   | 0,006            | 76        | 107    |
| CD59_HUMAN  | 0,0063           | 79        | 79     |
| LYN_HUMAN   | 0,0076           | 56        | 99     |
| OLFM4_HUMAN | 0,0077           | 180       | 223    |
| H2B1H_HUMAN | 0,0083           | 164       | 175    |
| NGAL_HUMAN  | 0,0084           | 55        | 73     |
| FCG3B_HUMAN | 0,0088           | 48        | 60     |
| NIBAN_HUMAN | 0,0093           | 3         | 15     |
| 1A03_HUMAN  | 0,0095           | 0         | 29     |
| H4_HUMAN    | 0,01             | 164       | 177    |
| LA_HUMAN    | 0,01             | 0         | 6      |
| S10A9_HUMAN | 0,012            | 439       | 417    |
| G6PD_HUMAN  | 0,012            | 109       | 143    |
| GSHR_HUMAN  | 0,013            | 6         | 18     |
| S10A8_HUMAN | 0,014            | 274       | 330    |
| HNRPK_HUMAN | 0,014            | 1         | 8      |
| SIGL9_HUMAN | 0,015            | 0         | 10     |
| TM11B_HUMAN | 0,016            | 27        | 51     |
| SAA1_HUMAN  | 0,016            | 30        | 43     |
| PSME1_HUMAN | 0,016            | 0         | 11     |
| ELNE_HUMAN  | 0,017            | 180       | 207    |
| CYTB_HUMAN  | 0,017            | 73        | 72     |
| KPCB_HUMAN  | 0,018            | 4         | 28     |
| ARP3_HUMAN  | 0,019            | 87        | 101    |
| MUC4_HUMAN  | 0,019            | 56        | 80     |
| RGS19_HUMAN | 0,019            | 23        | 29     |
| ARP2_HUMAN  | 0,02             | 44        | 66     |
| PADI4_HUMAN | 0,021            | 30        | 74     |
| IGHG1_HUMAN | 0,022            | 301       | 303    |
| ECM1_HUMAN  | 0,022            | 107       | 103    |
| TERA_HUMAN  | 0,022            | 14        | 36     |
| IL36A_HUMAN | 0,022            | 15        | 26     |
| TCPZ_HUMAN  | 0,023            | 2         | 13     |
| MYL6_HUMAN  | 0,025            | 145       | 133    |

|             |       |     |     |
|-------------|-------|-----|-----|
| PLS1_HUMAN  | 0,025 | 33  | 46  |
| EF1G_HUMAN  | 0,025 | 17  | 31  |
| GDIR1_HUMAN | 0,026 | 11  | 21  |
| RO52_HUMAN  | 0,026 | 0   | 8   |
| FCG3A_HUMAN | 0,026 | 0   | 19  |
| KLK14_HUMAN | 0,027 | 0   | 7   |
| GIT2_HUMAN  | 0,027 | 0   | 7   |
| PLAC8_HUMAN | 0,027 | 0   | 7   |
| DYHC1_HUMAN | 0,028 | 12  | 25  |
| GANAB_HUMAN | 0,029 | 45  | 75  |
| ATPB_HUMAN  | 0,029 | 16  | 38  |
| CDD_HUMAN   | 0,029 | 20  | 35  |
| CAZA1_HUMAN | 0,03  | 26  | 36  |
| PDIA6_HUMAN | 0,03  | 0   | 9   |
| HNRH1_HUMAN | 0,03  | 0   | 5   |
| CLH1_HUMAN  | 0,031 | 141 | 164 |
| VPS28_HUMAN | 0,031 | 3   | 11  |
| RL30_HUMAN  | 0,031 | 0   | 5   |
| GYS1_HUMAN  | 0,032 | 7   | 18  |
| DOCK2_HUMAN | 0,033 | 22  | 44  |
| TSP1_HUMAN  | 0,033 | 14  | 45  |
| PRB2_HUMAN  | 0,033 | 8   | 14  |
| CATG_HUMAN  | 0,034 | 550 | 466 |
| FLOT1_HUMAN | 0,034 | 109 | 116 |
| BST1_HUMAN  | 0,035 | 72  | 79  |
| ANXA4_HUMAN | 0,036 | 91  | 95  |
| TOM1_HUMAN  | 0,036 | 2   | 15  |
| QCR1_HUMAN  | 0,037 | 0   | 10  |
| TCPD_HUMAN  | 0,038 | 1   | 12  |
| RALB_HUMAN  | 0,038 | 20  | 30  |
| K1H1_HUMAN  | 0,039 | 5   | 86  |
| ML12A_HUMAN | 0,042 | 61  | 53  |
| PDIA3_HUMAN | 0,042 | 29  | 42  |
| SQRD_HUMAN  | 0,042 | 15  | 29  |
| TCPG_HUMAN  | 0,042 | 4   | 15  |
| KT33B_HUMAN | 0,043 | 0   | 51  |
| VIME_HUMAN  | 0,044 | 30  | 38  |
| MUC2_HUMAN  | 0,044 | 0   | 51  |
| 1B07_HUMAN  | 0,044 | 0   | 30  |
| SPR2A_HUMAN | 0,045 | 7   | 22  |
| RAN_HUMAN   | 0,046 | 10  | 20  |
| SPTB2_HUMAN | 0,048 | 13  | 24  |
| CAPG_HUMAN  | 0,049 | 3   | 18  |