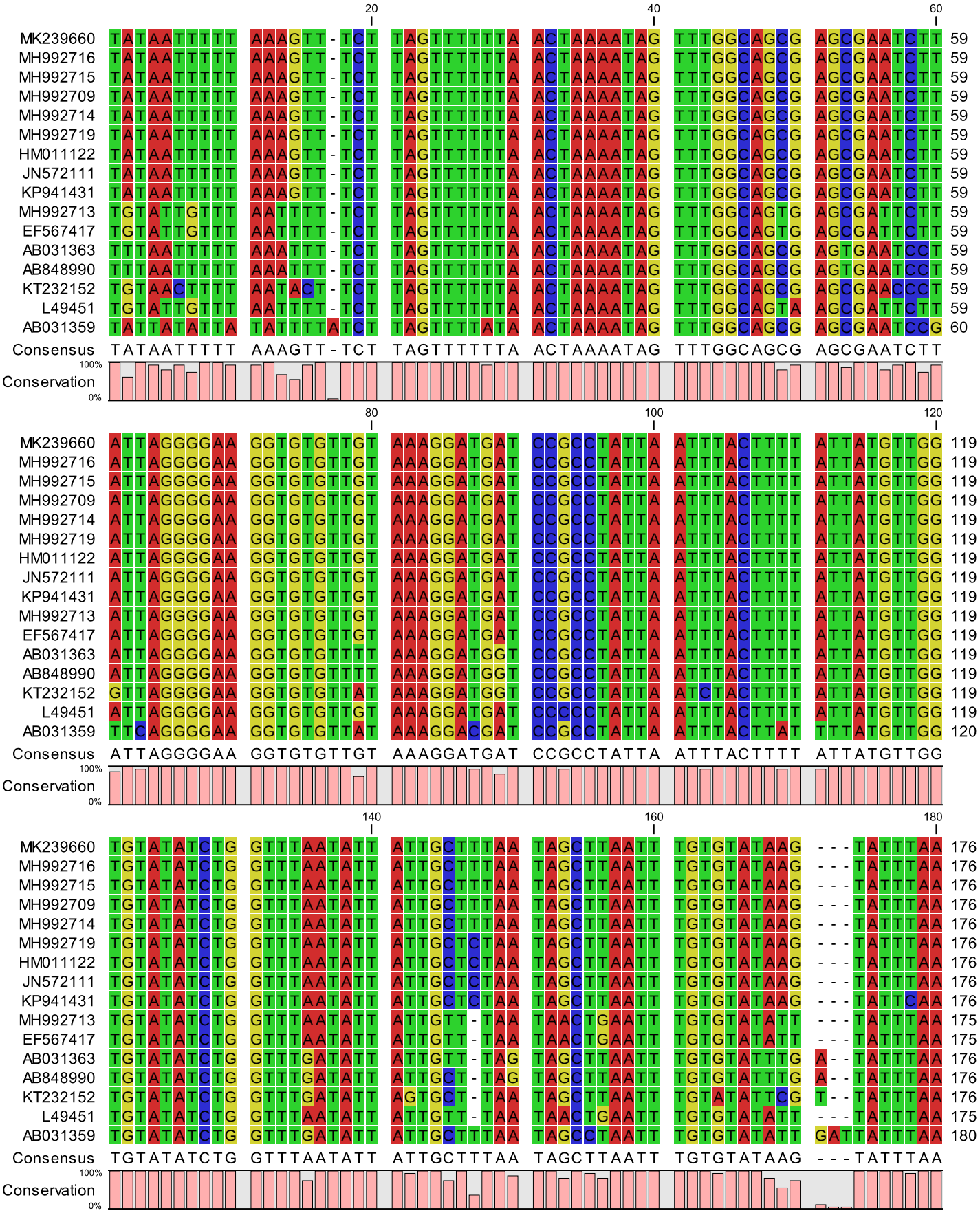
20
40
60
MK239660 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
MH992716 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
MH992715 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
MH992709 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
MH992714 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
MH992719 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
HM011122 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
JN572111 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
KP941431 TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT 59
MH992713 TGTATTGTTT AATTTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGTG AGCGATTCTT 59
EF567417 TGTATTGTTT AATTTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGTG AGCGATTCTT 59
AB031363 TTTAATTTTT AAATTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGTGAATCCT 59
AB848990 TTTAATTTTT AAATTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGTGAATCCT 59
KT232152 TGTAACTTTT AATACT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAACCCT 59
L49451 TGTATTGTTT AATTTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGTA AGCGATTCTT 59
AB031359 TATTATATTA TATTTTATCT TAGTTTTATA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCCG 60
Consensus TATAATTTTT AAAGTT-TCT TAGTTTTTTA ACTAAAATAG TTTGGCAGCG AGCGAATCTT
100%
Conservation
0%
80
100
120
MK239660 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
MH992716 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
MH992715 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
MH992709 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
MH992714 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
MH992719 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
HM011122 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
JN572111 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
KP941431 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
MH992713 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
EF567417 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
AB031363 ATTAGGGGAA GGTGTGTTTT AAAGGATGGT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
AB848990 ATTAGGGGAA GGTGTGTTTT AAAGGATGGT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
KT232152 GTTAGGGGAA GGTGTGTTAT AAAGGATGGT CCGCCTATTA ATCTACTTTT ATTATGTTGG 119
L49451 ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCCCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG 119
AB031359 TTCAGGGGAA GGTGTGTTAT AAAGGACGAT CCGCCTATTA ATTTACTTAT TTTATGTTGG 120
Consensus ATTAGGGGAA GGTGTGTTGT AAAGGATGAT CCGCCTATTA ATTTACTTTT ATTATGTTGG
100%
Conservation
0%
140
160
180
MK239660 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTTTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
MH992716 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTTTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
MH992715 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTTTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
MH992709 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTTTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
MH992714 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTTTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
MH992719 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTCTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
HM011122 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTCTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
JN572111 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTCTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA 176
KP941431 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTCTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTCAA 176
MH992713 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGTT-TAA TAACTGAATT TGTGTATATT ---TATTTAA 175
EF567417 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGTT-TAA TAACTGAATT TGTGTATATT ---TATTTAA 175
AB031363 TGTATATCTG GTTTGATATT ATTGTT-TAG TAGCTTAATT TGTGTATTTG A--TATTTAA 176
AB848990 TGTATATCTG GTTTGATATT ATTGCT-TAG TAGCTTAATT TGTGTATTTG A--TATTTAA 176
KT232152 TGTATATCTG GTTTGATATT AGTGCT-TAA TAGCTTAATT TGTATATTCG T--TATTTAA 176
L49451 TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGTT-TAA TAACTGAATT TGTGTATATT ---TATTTAA 175
AB031359 TGTATATCTG GTTTGATATT ATTGCTTTAA TAGCCTAATT TGTGTATATT GATTATTTAA 180
Consensus TGTATATCTG GTTTAATATT ATTGCTTTAA TAGCTTAATT TGTGTATAAG ---TATTTAA
100%
Conservation
0%

```
                                                  200                                                  220                                                  240
MK239660   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTGAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCC 234
MH992716   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTGAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCC 234
MH992715   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTGAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCC 234
MH992709   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTGAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCC 234
MH992714   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTGAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCC 234
MH992719   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCT 234
HM011122   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCT 234
JN572111   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCT 234
KP941431   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTCATAA- AT-TTATTCT 234
MH992713   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAT- TTATAAATTA 234
EF567417   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAT- TTATAAATTA 234
AB031363   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAGT ATATTCATCA 236
AB848990   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAGT ATATTCATCA 236
KT232152   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGGTT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTGGTTA 234
L49451     GCCAAGTCTA TGTGCTGCGT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAG- TTATAAATTA 234
AB031359   GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT ATTTAAGTTT TCATGCGTTA CATTTATAA- ATTTAAATT- 238
Consensus  GCCAAGTCTA TGTGCTGCTT GTAAAAGATT TCATGCGTTA CATTTATAA- AT-TTATTCA
100%
Conservation
0%

                                                  260                                                  280                                                  300
MK239660   TGTAAGTTGG GTTTTGTTTA CATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
MH992716   TGTAAGTTGG GTTTTGTTTA CATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
MH992715   TGTAAGTTGG GTTTTGTTTA CATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
MH992709   TGTAAGTTGG GTTTTGTTTA CATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
MH992714   TGTAAGTTGG GTTTTGTTTA TATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
MH992719   TGTAAATTGG GTTTTGTTTA TATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
HM011122   TGTAAATTGG GTTTTGTTTA TATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
JN572111   TGTAAATTGG GTTTTGTTTA TATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT 294
KP941431   TGTAAATTGG GTTTTGTTTA TATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGCCTAT 294
MH992713   TGAGAATTTA ATTTTT-T--- AATT-AGGAC TTAAAAGTAA TATAGAATGA TTTTGTCTAT 289
EF567417   TGAGAATTTA ATTTTT-T--- AATT-AGGAC TTAAAAGTAA TATAGAATGA TTTTGTCTAT 289
AB031363   TGTGAAT--A GAT--GT--A AATTTAGGAC TTAAAAGTAA TATAGAATTA GTTTGTCTAT 290
AB848990   TGTGAAT--A GAT--GT--A AATTTAGGAC TTAAAAGTAA TATAGAATTA GTTTGTCTAT 290
KT232152   TGTAATT--A ACTTTGT--G AATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATAA GTTTGTTTAC 290
L49451     TGAGAATTTA ATTTTT-T--- AATT-AGGAC TTAAAAGTAT TATAGAATAA TTTTGTCTAT 289
AB031359   TGTTAT---A GTTTAAT--- -ATTTAGGAC TTGATAGTAG TGTAGATTTA TTGTGTCTAT 291
Consensus  TGTAAATTGG GTTTTGTTTA AATTGAGGAC TTAAAAGTAA TGTAGAATTA GTTTGTCTAT
100%
Conservation
0%

MK239660   GTG 297
MH992716   GTG 297
MH992715   GTG 297
MH992709   GTG 297
MH992714   GTG 297
MH992719   GTG 297
HM011122   GTG 297
JN572111   GTG 297
KP941431   GTG 297
MH992713   GTG 292
EF567417   GTG 292
AB031363   GTG 293
AB848990   GTG 293
KT232152   ATG 293
L49451     GTG 292
AB031359   GCG 294
Consensus  GTG
100%
Conservation
0%
```